

		hsa-miR-29a-3p		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>CCNI2</i>	ENSG00000205089	-0.436	
2	<i>VPS33B</i>	ENSG00000184056	-0.506	
3	<i>SCLT1</i>	ENSG00000151466	-0.591	
4	<i>DAAM2</i>	ENSG00000146122	-0.477	
5	<i>TMEM183A</i>	ENSG00000163444	-0.425	0.924
6	<i>BRWD3</i>	ENSG00000165288	-0.732	
7	<i>VCPKMT</i>	ENSG00000100483	-0.485	0.676
8	<i>NAT1</i>	ENSG00000171428	-0.439	
9	<i>C2orf68</i>	ENSG00000168887	-0.474	
10	<i>FREM2</i>	ENSG00000150893	-0.424	0.969
11	<i>SPARC</i>	ENSG00000113140	-0.603	
12	<i>FERMT2</i>	ENSG00000073712	-0.437	0.453
13	<i>FAM167A</i>	ENSG00000154319	-0.467	
14	<i>SLC6A14</i>	ENSG00000087916	-0.442	
15	<i>ISG20L2</i>	ENSG00000143319	-0.421	0.925
16	<i>FEM1B</i>	ENSG00000169018	-0.496	0.924
17	<i>LRP6</i>	ENSG00000070018	-0.489	0.972
18	<i>SLC44A5</i>	ENSG00000137968	-0.452	0.925
19	<i>FABP1</i>	ENSG00000163586	-0.496	
20	<i>SH3PXD2A</i>	ENSG00000107957	-0.423	0.987
21	<i>PCDHA10</i>	ENSG00000250120	-0.552	
22	<i>ZNF396</i>	ENSG00000186496	-0.493	
23	<i>TET1</i>	ENSG00000138336	-0.651	0.999
24	<i>CLEC2D</i>	ENSG00000069493	-0.536	
25	<i>PCDHA7</i>	ENSG00000204963	-0.552	
26	<i>CIQTNF6</i>	ENSG00000133466	-0.407	0.968
27	<i>IFI30</i>	ENSG00000216490	-0.494	0.905
28	<i>CFL1</i>	ENSG00000172757	-0.427	
29	<i>WDR75</i>	ENSG00000115368	-0.504	
30	<i>MEX3B</i>	ENSG00000183496	-0.522	0.853
31	<i>PPIC</i>	ENSG00000168938	-0.42	
32	<i>PCDHA13</i>	ENSG00000239389	-0.552	
33	<i>GTF3C3</i>	ENSG00000119041	-0.474	
34	<i>GSTO2</i>	ENSG00000065621	-0.513	
35	<i>PCDHA1</i>	ENSG00000204970	-0.552	
36	<i>COL4A5</i>	ENSG00000188153	-0.615	
37	<i>ELN</i>	ENSG00000049540	-0.796	
38	<i>BTBD10</i>	ENSG00000148925	-0.459	
39	<i>RAET1L</i>	ENSG00000155918	-0.435	
40	<i>SEC23A</i>	ENSG00000100934	-0.401	
41	<i>ZDHHC5</i>	ENSG00000156599	-0.421	0.681

42	<i>HIF3A</i>	ENSG00000124440	-0.736	0.981
43	<i>PII5</i>	ENSG00000137558	-0.566	
44	<i>TAF11</i>	ENSG00000064995	-0.559	
45	<i>YPEL2</i>	ENSG00000175155	-0.432	0.971
46	<i>COL7A1</i>	ENSG00000114270	-0.563	0.966
47	<i>HRK</i>	ENSG00000135116	-0.545	0.995
48	<i>PAPOLG</i>	ENSG00000115421	-0.48	0.827
49	<i>DNMT3B</i>	ENSG00000088305	-0.426	0.925
50	<i>GPATCH2</i>	ENSG00000092978	-0.487	0.925
51	<i>ARID1B</i>	ENSG00000049618	-0.569	
52	<i>SERPINB9</i>	ENSG00000170542	-0.656	
53	<i>NNMT</i>	ENSG00000166741	-0.582	
54	<i>HBP1</i>	ENSG00000105856	-0.789	
55	<i>COL19A1</i>	ENSG00000082293	-0.502	
56	<i>PXYLP1</i>	ENSG00000155893	-0.453	0.903
57	<i>SETDB2</i>	ENSG00000136169	-0.454	0.986
58	<i>TNFAIP3</i>	ENSG00000118503	-0.403	
59	<i>DNAJB7</i>	ENSG00000172404	-0.418	
60	<i>SMTNL2</i>	ENSG00000188176	-0.418	0.857
61	<i>TMOD3</i>	ENSG00000138594	-0.489	0.920
62	<i>CCDC138</i>	ENSG00000163006	-0.637	
63	<i>TFEC</i>	ENSG00000105967	-0.433	
64	<i>LOX</i>	ENSG00000113083	-0.521	
65	<i>ERCC6</i>	ENSG00000225830	-0.732	0.894
66	<i>ZKSCAN7</i>	ENSG00000196345	-0.416	0.581
67	<i>RTKN2</i>	ENSG00000182010	-0.566	
68	<i>PMP22</i>	ENSG00000109099	-0.41	0.795
69	<i>MUC22</i>	ENSG00000261272	-0.506	
70	<i>CLEC7A</i>	ENSG00000172243	-0.459	
71	<i>PCDHA11</i>	ENSG00000249158	-0.552	
72	<i>COL3A1</i>	ENSG00000168542	-0.918	0.979
73	<i>SNIP1</i>	ENSG00000163877	-0.466	0.833
74	<i>SREBF1</i>	ENSG00000072310	-0.422	
75	<i>HHIPL1</i>	ENSG00000182218	-0.424	
76	<i>LYSMD1</i>	ENSG00000163155	-0.514	0.919
77	<i>TDG</i>	ENSG00000139372	-0.529	0.879
78	<i>SPIN4</i>	ENSG00000186767	-0.422	
79	<i>TBCCD1</i>	ENSG00000113838	-0.44	
80	<i>RHCE</i>	ENSG00000188672	-0.506	0.772
81	<i>NSD1</i>	ENSG00000165671	-0.517	
82	<i>COL9A1</i>	ENSG00000112280	-0.444	
83	<i>ADAMTS12</i>	ENSG00000151388	-0.497	0.999
84	<i>ADAMTS2</i>	ENSG00000087116	-0.71	
85	<i>COL21A1</i>	ENSG00000124749	-0.468	

86	<i>ZNF207</i>	ENSG00000010244	-0.547	
87	<i>TDRD3</i>	ENSG00000083544	-0.621	
88	<i>FRAT2</i>	ENSG000000181274	-0.445	0.916
89	<i>CCSAP</i>	ENSG000000154429	-0.47	0.715
90	<i>PRR14L</i>	ENSG000000183530	-0.549	0.984
91	<i>C7orf73</i>	ENSG000000243317	-0.439	
92	<i>MMP16</i>	ENSG000000156103	-0.7	
93	<i>AKT2</i>	ENSG000000105221	-0.631	
94	<i>TPK1</i>	ENSG000000196511	-0.422	
95	<i>PCDHA2</i>	ENSG000000204969	-0.552	
96	<i>C4orf29</i>	ENSG000000164074	-0.4	0.972
97	<i>IQCJ</i>	ENSG000000214216	-0.426	
98	<i>GPR37</i>	ENSG000000170775	-0.493	
99	<i>COL2A1</i>	ENSG000000139219	-0.434	0.896
100	<i>MBTD1</i>	ENSG00000011258	-0.47	0.842
101	<i>TET3</i>	ENSG000000187605	-0.495	1.000
102	<i>NAV2</i>	ENSG000000166833	-0.464	0.970
103	<i>PAN2</i>	ENSG000000135473	-0.433	0.913
104	<i>ZKSCAN4</i>	ENSG000000187626	-0.496	
105	<i>SLC16A14</i>	ENSG000000163053	-0.467	0.897
106	<i>GPC4</i>	ENSG000000076716	-0.528	
107	<i>HAS3</i>	ENSG000000103044	-0.505	0.987
108	<i>ASTE1</i>	ENSG000000034533	-0.436	
109	<i>COL15A1</i>	ENSG000000204291	-0.442	0.903
110	<i>HAPLN3</i>	ENSG000000140511	-0.464	
111	<i>DPYSL5</i>	ENSG000000157851	-0.407	0.923
112	<i>TESPA1</i>	ENSG000000135426	-0.653	
113	<i>RIT1</i>	ENSG000000143622	-0.543	0.786
114	<i>KIDINS220</i>	ENSG000000134313	-0.663	
115	<i>ASXL3</i>	ENSG000000141431	-0.543	0.969
116	<i>HMCN1</i>	ENSG000000143341	-0.687	0.915
117	<i>SHROOM2</i>	ENSG000000146950	-0.476	
118	<i>LPL</i>	ENSG000000175445	-0.42	
119	<i>TMEM178B</i>	ENSG000000261115	-0.411	
120	<i>PCDHAC2</i>	ENSG000000243232	-0.55	
121	<i>ARL17A</i>	ENSG000000185829	-0.498	
122	<i>COL5A1</i>	ENSG000000130635	-0.525	
123	<i>PCDHA12</i>	ENSG000000251664	-0.552	
124	<i>ATAD2B</i>	ENSG000000119778	-1.298	0.981
125	<i>ZBTB5</i>	ENSG000000168795	-0.556	
126	<i>RNF19A</i>	ENSG000000034677	-0.461	
127	<i>PDPN</i>	ENSG000000162493	-0.444	
128	<i>TRIB2</i>	ENSG000000071575	-0.597	0.988
129	<i>MRPL17</i>	ENSG000000158042	-0.413	

130	<i>TMEM169</i>	ENSG00000163449	-0.657	0.969
131	<i>COL4A4</i>	ENSG00000081052	-0.765	0.966
132	<i>FARP2</i>	ENSG00000006607	-0.539	0.224
133	<i>RGS1</i>	ENSG00000090104	-0.526	
134	<i>SS18L1</i>	ENSG00000184402	-0.457	0.833
135	<i>PTPRJ</i>	ENSG00000149177	-0.425	
136	<i>SLC35B2</i>	ENSG00000157593	-0.553	
137	<i>TTC30B</i>	ENSG00000196659	-0.404	0.445
138	<i>MAPRE1</i>	ENSG00000101367	-0.412	0.723
139	<i>CDC42</i>	ENSG00000070831	-0.4	0.813
140	<i>DCX</i>	ENSG00000077279	-0.431	
141	<i>NARF</i>	ENSG00000141562	-0.427	0.903
142	<i>CDC7</i>	ENSG00000097046	-0.468	0.753
143	<i>AUNIP</i>	ENSG00000127423	-0.418	
144	<i>AICDA</i>	ENSG00000111732	-0.445	
145	<i>MXD1</i>	ENSG00000059728	-0.527	0.965
146	<i>RP11-444E17.6</i>	ENSG00000272442	-0.608	
147	<i>CLDN1</i>	ENSG00000163347	-0.425	0.836
148	<i>COL1A2</i>	ENSG00000164692	-0.606	
149	<i>FAM23B</i>	ENSG00000184040	-0.527	0.836
150	<i>SLC22A7</i>	ENSG00000137204	-0.646	
151	<i>ARRDC3</i>	ENSG00000113369	-0.433	0.805
152	<i>PCDHA5</i>	ENSG00000204965	-0.552	
153	<i>IGF1</i>	ENSG00000017427	-0.402	0.994
154	<i>MAP6</i>	ENSG00000171533	-0.418	0.818
155	<i>GSTA4</i>	ENSG00000170899	-0.438	
156	<i>KIF26A</i>	ENSG00000066735	-0.413	0.925
157	<i>BCCIP</i>	ENSG00000107949	-0.434	
158	<i>ZNF577</i>	ENSG00000161551	-0.615	
159	<i>COL11A1</i>	ENSG00000060718	-0.613	0.933
160	<i>DTWD2</i>	ENSG00000169570	-0.511	
161	<i>IL1RL1</i>	ENSG00000115602	-0.543	
162	<i>CLMN</i>	ENSG00000165959	-0.62	0.921
163	<i>NAPIL3</i>	ENSG00000186310	-0.411	
164	<i>CEACAM6</i>	ENSG00000086548	-0.559	
165	<i>COL6A3</i>	ENSG00000163359	-0.428	0.925
166	<i>TLL1</i>	ENSG00000038295	-0.528	0.899
167	<i>C1orf220</i>	ENSG00000213057	-0.413	
168	<i>KIAA1024</i>	ENSG00000169330	-0.403	0.993
169	<i>ABCB6</i>	ENSG00000115657	-0.404	
170	<i>TMEM236</i>	ENSG00000148483	-0.527	0.890
171	<i>PDIK1L</i>	ENSG00000175087	-0.466	0.840
172	<i>SUV420H2</i>	ENSG00000133247	-0.746	0.972

173	<i>LIN7A</i>	ENSG00000111052	-0.424	0.917
174	<i>PCDHAC1</i>	ENSG00000248383	-0.552	
175	<i>RLF</i>	ENSG00000117000	-0.473	0.905
176	<i>VPS37C</i>	ENSG00000167987	-0.482	0.828
177	<i>FAM136A</i>	ENSG00000035141	-0.41	0.877
178	<i>PXDN</i>	ENSG00000130508	-0.63	0.925
179	<i>GRAP2</i>	ENSG00000100351	-0.437	0.480
180	<i>ROBO1</i>	ENSG00000169855	-0.545	0.822
181	<i>CCNJ</i>	ENSG00000107443	-0.48	0.540
182	<i>COL8A1</i>	ENSG00000144810	-0.402	0.925
183	<i>PCDHA8</i>	ENSG00000204962	-0.552	
184	<i>ULBP2</i>	ENSG00000131015	-0.435	
185	<i>NFIA</i>	ENSG00000162599	-0.644	0.995
186	<i>ATG9A</i>	ENSG00000198925	-0.417	0.877
187	<i>XKR6</i>	ENSG00000171044	-0.457	
188	<i>CALCB</i>	ENSG00000175868	-0.59	
189	<i>LAMA2</i>	ENSG00000196569	-0.515	
190	<i>CREG1</i>	ENSG00000143162	-0.417	
191	<i>NAV3</i>	ENSG00000067798	-0.615	0.975
192	<i>GRIP1</i>	ENSG00000155974	-0.503	0.879
193	<i>MPZL3</i>	ENSG00000160588	-0.403	
194	<i>CYCS</i>	ENSG00000172115	-0.415	
195	<i>VGLL1</i>	ENSG00000102243	-0.519	
196	<i>PCDHA4</i>	ENSG00000204967	-0.552	
197	<i>COL25A1</i>	ENSG00000188517	-0.468	0.885
198	<i>MOB1A</i>	ENSG00000114978	-0.438	0.827
199	<i>C10orf67</i>	ENSG00000179133	-0.42	
200	<i>TNFRSF9</i>	ENSG00000049249	-0.475	
201	<i>COL5A3</i>	ENSG00000080573	-0.731	0.997
202	<i>VEGFA</i>	ENSG00000112715	-0.528	
203	<i>PTEN</i>	ENSG00000171862	-0.423	0.973
204	<i>SLC5A8</i>	ENSG00000256870	-0.557	0.818
205	<i>XDH</i>	ENSG00000158125	-0.427	
206	<i>ADAMTS9</i>	ENSG00000163638	-0.515	0.996
207	<i>SCML2</i>	ENSG00000102098	-0.434	
208	<i>PCDHA3</i>	ENSG00000255408	-0.552	
209	<i>SESTD1</i>	ENSG00000187231	-0.597	0.992
210	<i>GABRP</i>	ENSG00000094755	-0.433	
211	<i>IBA57</i>	ENSG00000181873	-0.48	
212	<i>PCDH15</i>	ENSG00000150275	-0.47	
213	<i>CEP76</i>	ENSG00000101624	-0.5	0.925
214	<i>ATP10D</i>	ENSG00000145246	-0.515	0.439
215	<i>IQUB</i>	ENSG00000164675	-0.495	
216	<i>COL5A2</i>	ENSG00000204262	-0.416	0.995

217	<i>SGCB</i>	ENSG00000163069	-0.429	0.688
218	<i>IREB2</i>	ENSG00000136381	-0.496	0.925
219	<i>SCML1</i>	ENSG00000047634	-0.42	
220	<i>YBX3</i>	ENSG00000060138	-0.418	0.898
221	<i>METAP2</i>	ENSG00000111142	-0.417	0.747
222	<i>COL4A1</i>	ENSG00000187498	-0.578	0.995
223	<i>DGKH</i>	ENSG00000102780	-0.499	0.925
224	<i>DAZL</i>	ENSG00000092345	-0.491	
225	<i>C10orf55</i>	ENSG00000222047	-0.643	
226	<i>PCDHA6</i>	ENSG00000081842	-0.552	
227	<i>PIK3R2</i>	ENSG00000268173	-0.494	0.905
228	<i>SMIM17</i>	ENSG00000268182	-0.467	0.881
229	<i>ZNF28</i>	ENSG00000198538	-0.559	

		hsa-miR-144-5p		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>HOOK3</i>	ENSG00000168172	-0.566	
2	<i>GOLGA7B</i>	ENSG00000155265	-0.44	
3	<i>FAM198B</i>	ENSG00000164125	-0.411	
4	<i>SH2D1B</i>	ENSG00000198574	-0.647	
5	<i>ZNF292</i>	ENSG00000188994	-0.417	
6	<i>LRIG1</i>	ENSG00000144749	-0.416	
7	<i>ZNF510</i>	ENSG00000081386	-0.426	
8	<i>RAB33A</i>	ENSG00000134594	-0.448	
9	<i>ZNF436</i>	ENSG00000125945	-0.409	
10	<i>TMEM67</i>	ENSG00000164953	-0.511	
11	<i>DRAM2</i>	ENSG00000156171	-0.484	
12	<i>C1orf131</i>	ENSG00000143633	-0.796	
13	<i>FAR1</i>	ENSG00000197601	-0.469	
14	<i>F2R</i>	ENSG00000181104	-0.456	
15	<i>ZNF763</i>	ENSG00000267179	-0.431	
16	<i>KLHL36</i>	ENSG00000135686	-0.424	
17	<i>ZNF215</i>	ENSG00000149054	-0.597	
18	<i>DAZ4</i>	ENSG00000205916	-0.498	
19	<i>NBPF3</i>	ENSG00000142794	-0.46	
20	<i>ZNF700</i>	ENSG00000196757	-0.431	
21	<i>SYNPR</i>	ENSG00000163630	-0.456	
22	<i>TMEFF2</i>	ENSG00000144339	-0.428	
23	<i>PGRMC2</i>	ENSG00000164040	-0.403	
24	<i>WDR3</i>	ENSG00000065183	-0.46	
25	<i>WFDC5</i>	ENSG00000175121	-0.422	
26	<i>FAM84B</i>	ENSG00000168672	-0.455	
27	<i>INADL</i>	ENSG00000132849	-0.423	

28	<i>VSIG1</i>	ENSG00000101842	-0.526	
29	<i>SYNPO2</i>	ENSG00000172403	-0.468	
30	<i>PLCB4</i>	ENSG00000101333	-0.455	

		hsa-miR-155-5p		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>JARID2</i>	ENSG00000008083	-0.472	
2	<i>MASTL</i>	ENSG00000120539	-0.406	
3	<i>ZBTB38</i>	ENSG00000177311	-0.477	0.292
4	<i>PCDHA10</i>	ENSG00000250120	-0.443	
5	<i>IKBIP</i>	ENSG00000166130	-0.633	0.113
6	<i>CPA3</i>	ENSG00000163751	-0.542	
7	<i>PCDHA7</i>	ENSG00000204963	-0.443	
8	<i>ZNF724P</i>	ENSG00000196081	-0.517	
9	<i>PCDHA13</i>	ENSG00000239389	-0.443	
10	<i>ZNF431</i>	ENSG00000196705	-0.451	
11	<i>PCDHA1</i>	ENSG00000204970	-0.443	
12	<i>GCLM</i>	ENSG00000023909	-0.461	
13	<i>ZNF260</i>	ENSG00000254004	-0.464	
14	<i>C2orf80</i>	ENSG00000188674	-0.45	0.339
15	<i>RP11-382J12.1</i>	ENSG00000246366	-0.498	
16	<i>FAM153A</i>	ENSG00000170074	-0.467	
17	<i>IRF2BP2</i>	ENSG00000168264	-0.41	0.300
18	<i>DPY19L1</i>	ENSG00000173852	-0.426	
19	<i>MIPOL1</i>	ENSG00000151338	-0.412	
20	<i>DCUN1D2</i>	ENSG00000150401	-0.413	
21	<i>TSHZ3</i>	ENSG00000121297	-0.448	0.523
22	<i>PCDHA11</i>	ENSG00000249158	-0.443	
23	<i>ZKSCAN8</i>	ENSG00000198315	-0.413	
24	<i>BTN2A2</i>	ENSG00000124508	-0.408	
25	<i>PCDHA2</i>	ENSG00000204969	-0.443	
26	<i>RAB11FIP2</i>	ENSG00000107560	-0.457	0.466
27	<i>APIS2</i>	ENSG00000182287	-0.575	
28	<i>TYRP1</i>	ENSG00000107165	-0.527	
29	<i>KPNA5</i>	ENSG00000196911	-0.584	0.276
30	<i>ZNF860</i>	ENSG00000197385	-0.617	
31	<i>PCDHAC2</i>	ENSG00000243232	-0.44	
32	<i>PCDHA12</i>	ENSG00000251664	-0.443	
33	<i>SEMA3A</i>	ENSG00000075213	-0.621	
34	<i>PCDHA5</i>	ENSG00000204965	-0.443	
35	<i>VMA21</i>	ENSG00000160131	-0.435	
36	<i>SPX</i>	ENSG00000134548	-0.469	

37	<i>PCDHAC1</i>	ENSG00000248383	-0.443	
38	<i>TAF5L</i>	ENSG00000135801	-0.488	
39	<i>FBXO22</i>	ENSG00000167196	-0.439	0.106
40	<i>CDX1</i>	ENSG00000113722	-0.405	
41	<i>AKTIP</i>	ENSG00000166971	-0.405	
42	<i>PCDHA8</i>	ENSG00000204962	-0.443	
43	<i>PCDHA4</i>	ENSG00000204967	-0.443	
44	<i>FBXO33</i>	ENSG00000165355	-0.421	0.410
45	<i>ZNF652</i>	ENSG00000198740	-0.593	0.821
46	<i>TDRD9</i>	ENSG00000156414	-0.408	
47	<i>PCDHA3</i>	ENSG00000255408	-0.443	
48	<i>ASAP2</i>	ENSG00000151693	-0.431	
49	<i>PCDHA6</i>	ENSG00000081842	-0.443	

		hsa-miR-155-3p		
#	Gene Name	Gene Ensembl id	Context Score	Conservation Score
1	<i>CAMK2D</i>	ENSG00000145349	-0.437	
2	<i>MROH2A</i>	ENSG00000185038	-0.462	
3	<i>EAFL</i>	ENSG00000144597	-0.686	
4	<i>CEP70</i>	ENSG00000114107	-0.571	
5	<i>FABP2</i>	ENSG00000145384	-0.413	
6	<i>MYOT</i>	ENSG00000120729	-0.425	
7	<i>OTUD1</i>	ENSG00000165312	-0.417	
8	<i>ZNF420</i>	ENSG00000197050	-0.406	
9	<i>SNX18</i>	ENSG00000178996	-0.423	
10	<i>IRF4</i>	ENSG00000137265	-0.516	
11	<i>GPNMB</i>	ENSG00000136235	-0.462	
12	<i>OR8J1</i>	ENSG00000172487	-0.471	
13	<i>ZNF879</i>	ENSG00000234284	-0.44	
14	<i>CELA3B</i>	ENSG00000219073	-0.46	
15	<i>ZNF114</i>	ENSG00000178150	-0.506	
16	<i>ZSCAN12</i>	ENSG00000158691	-0.472	
17	<i>CMBL</i>	ENSG00000164237	-0.423	
18	<i>IFIT1</i>	ENSG00000185745	-0.5	
19	<i>DENND1B</i>	ENSG00000213047	-0.552	
20	<i>NUP133</i>	ENSG00000069248	-0.446	
21	<i>ZFP14</i>	ENSG00000142065	-0.61	
22	<i>SYPL1</i>	ENSG00000008282	-0.541	
23	<i>ARHGEF33</i>	ENSG00000214694	-0.432	
24	<i>SIPR5</i>	ENSG00000180739	-0.421	
25	<i>PEX5</i>	ENSG00000139197	-0.42	
26	<i>HMGB2</i>	ENSG00000164104	-0.432	
27	<i>AC025278.1</i>	ENSG00000204752	-0.536	

28	<i>GOLM1</i>	ENSG00000135052	-0.423	
29	<i>INO80C</i>	ENSG00000153391	-0.428	
30	<i>ZBTB41</i>	ENSG00000177888	-0.51	
31	<i>ZNF575</i>	ENSG00000176472	-0.443	
32	<i>CALCA</i>	ENSG00000110680	-0.439	
33	<i>CHEK1</i>	ENSG00000149554	-0.453	
34	<i>MURC</i>	ENSG00000170681	-0.43	
35	<i>TC2N</i>	ENSG00000165929	-0.403	
36	<i>FAM156B</i>	ENSG00000179304	-0.491	
37	<i>RERE</i>	ENSG00000142599	-0.428	
38	<i>HNRNPK</i>	ENSG00000165119	-0.433	
39	<i>RAPGEF4</i>	ENSG00000091428	-0.435	
40	<i>ZNF490</i>	ENSG00000188033	-0.511	
41	<i>POGLUT1</i>	ENSG00000163389	-0.518	
42	<i>STX7</i>	ENSG00000079950	-0.493	
43	<i>MOCS2</i>	ENSG00000164172	-0.421	
44	<i>MYD88</i>	ENSG00000172936	-0.418	
45	<i>SDK1</i>	ENSG00000146555	-0.45	
46	<i>AGO1</i>	ENSG00000092847	-0.4	
47	<i>FAM156A</i>	ENSG00000182646	-0.491	
48	<i>KIF26B</i>	ENSG00000162849	-0.471	
49	<i>UNK</i>	ENSG00000132478	-0.447	
50	<i>CREBRF</i>	ENSG00000164463	-0.402	
51	<i>DPH3</i>	ENSG00000154813	-0.428	
52	<i>FGB</i>	ENSG00000171564	-0.442	
53	<i>BMP10</i>	ENSG00000163217	-0.404	
54	<i>CEP350</i>	ENSG00000135837	-0.475	
55	<i>FER</i>	ENSG00000151422	-0.443	
56	<i>CCDC109B</i>	ENSG00000005059	-0.514	
57	<i>SLC25A36</i>	ENSG00000114120	-0.408	
58	<i>L2HGDH</i>	ENSG00000087299	-0.521	
59	<i>METTL6</i>	ENSG00000206562	-0.471	
60	<i>METTL9</i>	ENSG00000197006	-0.441	
61	<i>ANKRD13C</i>	ENSG00000118454	-0.489	
62	<i>OR9Q1</i>	ENSG00000186509	-0.412	
63	<i>STX12</i>	ENSG00000117758	-0.408	
64	<i>AUNIP</i>	ENSG00000127423	-0.456	
65	<i>IGF1</i>	ENSG00000017427	-0.479	
66	<i>MRPS6</i>	ENSG00000243927	-0.471	
67	<i>WHSC1</i>	ENSG00000109685	-0.444	
68	<i>ZNF334</i>	ENSG00000198185	-0.443	
69	<i>TSHZ1</i>	ENSG00000179981	-0.418	
70	<i>MED23</i>	ENSG00000112282	-0.578	
71	<i>ZNF140</i>	ENSG00000196387	-1.175	

72	<i>COLCA2</i>	ENSG00000214290	-0.468	
73	<i>ZNF570</i>	ENSG00000171827	-0.563	
74	<i>SNX6</i>	ENSG00000129515	-0.438	
75	<i>INA</i>	ENSG00000148798	-0.55	
76	<i>KANSL1L</i>	ENSG00000144445	-0.452	
77	<i>SLC27A2</i>	ENSG00000140284	-0.443	
78	<i>ZNF77</i>	ENSG00000175691	-0.411	
79	<i>METTL7A</i>	ENSG00000185432	-0.482	
80	<i>RFC3</i>	ENSG00000133119	-0.404	
81	<i>IDO1</i>	ENSG00000131203	-0.449	
82	<i>CYBRD1</i>	ENSG00000071967	-0.519	
83	<i>ULK2</i>	ENSG00000083290	-0.428	
84	<i>MRPL19</i>	ENSG00000115364	-0.874	
85	<i>DYNC1I2</i>	ENSG00000077380	-0.437	
86	<i>SNRNP200</i>	ENSG00000144028	-0.404	
87	<i>LINGO2</i>	ENSG00000174482	-0.416	
88	<i>ZNF629</i>	ENSG00000102870	-0.831	
89	<i>CCDC140</i>	ENSG00000163081	-0.427	
90	<i>EBF2</i>	ENSG00000221818	-0.413	
91	<i>SP6</i>	ENSG00000189120	-0.435	
92	<i>METAP2</i>	ENSG00000111142	-0.415	
93	<i>SNAP29</i>	ENSG00000099940	-0.41	
94	<i>EDIL3</i>	ENSG00000164176	-0.415	
95	<i>ZNF792</i>	ENSG00000180884	-0.439	